

УДК 577.4:517.949.2(262.54)

ИМИТАЦИОННАЯ СИСТЕМА "АЗОВСКОЕ МОРЬ"

А.Б.Горстко
(НИИ и ПМ СКНЦ ВШ)

Для прогнозирования последствий антропогенной деятельности для экосистемы Азовского моря в настоящее время необходим мощный математический аппарат.

Достаточно правдоподобной моделью экосистемы, используемая для прогноза, должна:

1) строиться по блочному принципу (принцип расщепления), что дает возможность верифицировать каждый блок до его включения в общую модель;

2) предусматривать возможность учета и использования результатов различных естественно-научных исследований;

3) допускать учет большого числа переменных состояния, их функций (чаще всего нелинейных) и ограничений;

4) предусматривать учет вероятностного характера многих параметров;

5) реализовываться в виде комплекса программ на ЭВМ.

Всем этим требованиям удовлетворяет имитационная система "Азовское море"^{х/}.

Будем считать Азовское море разделенным на семь районов (рис. I). Состояние экосистемы в каждом районе характеризуется вектором состояния, ингредиенты которого представляют собой концентрации различных веществ в воде, биомассы популяций и т.п. Предполагается, что внутри каждого района имеет место однородность по всем ингредиентам (условия в устьях рек и зоне Керченского пролива моделируются отдельно и являются для ИС экзогенными факторами). Размерность вектора состояния равна 120, причем распределение компонент следующее:

^{х/} ИС разрабатывается в НИИ механики и прикладной математики Северо-Кавказского центра Высшей школы.

- I-20 - концентрации химических элементов;
- 21-22 - биомассы бактерий;
- 23-34 - биомассы основных видов фитопланктона;
- 35-46 - биомассы основных видов зоопланктона;
- 47-61 - биомассы основных видов бентоса;
- 62-II3 - биомассы основных видов рыб с учетом их возрастных групп;
- II4-I20 - резерв.

Ингредиенты с течением времени, которое предполагается дискретным и меняется в ИС шагом в 5 суток, изменяются в физических, химических, биологических и прочих процессах. В связи с этим целесообразно в ИС выделить отдельные частные модели, описывающие достаточно близкие процессы и явления. Назовем эти модели блоками и перечислим их:

- 1) "перемешивание";
- 2) "биогенные элементы";
- 3) "загрязняющие вещества";
- 4) "фитопланктон";
- 5) "зоопланктон";
- 6) "бентос";
- 7) "рыба"^x.

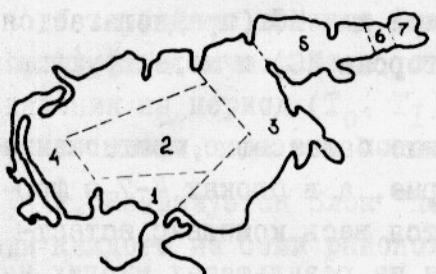


Рис. I. Схема деления Азовского моря на районы заданным внешним условиям (скорости и направлению ветра, водообмену с Черным морем, стоку рек Дона и Кубани) вычисляются объемы воды, перетекающие за соответствующую пятидневку между районами моря. Это перетекание определяет изменение ингредиентов с номерами I-46.

Блок "биогенные элементы" описывает круговорот азота, фосфора, кремния с учетом распада, переноса, изъятия и потребления. Температура и солнечная активность являются для этого блока определяющими факторами.

Блок "загрязняющие вещества" определяет изменения в концентрации за пятидневку с учетом распада и поступления новых порций загрязняющих веществ. Определяющие факторы здесь те же, что и в предыдущем блоке.

^x/ Этот блок представляет собой набор из восьми блоков - по одному для каждого из основных видов рыб.

В блоках "фитопланктон", "зоопланктон", "бентос" и "рыба" учитываются питание, дыхание, отмирание, размножение, миграции. Кроме того, для блока "рыба" учитывается промысловое воздействие, состоящее в изъятии соответствующей части популяций.

Уже отмечалось, что моделируемые в блоках процессы происходят тем или иным способом, с той или иной интенсивностью под воздействием различных факторов, из которых в ИС учитываются следующие:

- 1) объем стока Дона;
- 2) объем стока Кубани;
- 3) водообмен с Черным морем;
- 4) солнечная активность;
- 5) скорость и направление ветра;
- 6) температура воды.

Все эти факторы являются внешними для ИС (предполагается, что они не подвержены влиянию со стороны ИС) и моделируются отдельно.

В блоках I-3 используются обычные балансовые соотношения в конечной или дифференциальной форме, а в блоках 4-7 в форме моделирующих алгоритмов содержится весь комплекс естественно-научных сведений, базирующихся на результатах многих наблюдений, который определяет динамику соответствующего объекта в зависимости от тех или иных условий на протяжении всего жизненного цикла. И балансовые соотношения, и моделирующие алгоритмы реализуются в виде программ на ЭВМ.

Опишем процесс функционирования ИС. Пусть в момент времени T_0 известен вектор состояния экосистемы x_0 . Реализация одного временного такта ИС дает возможность вычислить вектор состояния x_1 в момент $T_0 + 5$ суток. Она осуществляется по одной из следующих двух схем - последовательное протекание процессов (A) и последовательно-параллельное протекание процессов (B).

Последовательное протекание процессов (A)

I. В первую очередь моделируются внешние факторы для промежутка времени (T_0, T_1) , где $T_1 = T_0 + 5$ суток, те из них, которые предполагаются случайными, - путем экстраполяции соответствующих временных рядов. Например, пусть имеется ряд наблюдений некоторой случайной величины $\{S(t_i)\}$ в моменты $t_1, t_2, \dots, t_N = T_0$. Аппроксимируем эти величины с помощью полинома

$$x(t) = \sum_{i=0}^n a_i t^i + \sum_{j=0}^m b_j \cos(2\pi f_j t + \varphi_j),$$

где $x(t)$ - значение полинома в момент ;

a_i - коэффициенты аппроксимирующего полинома;

n - степень полинома;

f_j - амплитуда косинусоидальной гармоники с частотой f_j и фазой φ_j .

Коэффициенты полинома $x(t)$ выбираются из условия минимума функционала

$$F = \sum_{i=1}^N \{S(t_i) - x(t_i)\}^2,$$

зная полином $x(t)$ можно аппроксимировать искомую величину $S(t_1) = S(T_{N+1})$ значением $x(t_{N+1})$.

Неслучайные внешние факторы (например, водообмен с Черным морем) либо вычисляются, либо в модель вводятся их прогнозные значения на период (T_0, T_1) . Далее, внешние факторы вводятся во все блоки, где они используются.

2. Реализуется блок "перемешивание", в результате чего для каждого из семи районов моря изменяются первые 46 компонент вектора состояния.

3. Поочередно в каждом районе уже измененный вектор состояния x_0 преобразуется с помощью всех остальных блоков. Для этого прежде всего вводится следующее упорядочение блоков во времени: "биогенные элементы" < "загрязняющие вещества" < "Фитопланктон" < "зоопланктон" < "бентос" < "рыба". Затем поочередно над вектором состояния выполняются преобразования, предписанные каждым блоком для периода $[T_0, T_1]$. Полученный в результате вектор x_1 является вектором состояния системы в момент T_1 . Порядок обмена информацией между блоками, важный для понимания многократного функционирования ИС, приведен на рис.2.

Описанная схема не лишена недостатков. Во всех блоках имеются процессы, которые происходят в промежутке времени T_0, T_1 одновременно. Чтобы преодолеть трудности их совместного рассмотрения и введено упорядочение блоков. В результате в ИС взаимодействуют ингредиенты, относящиеся к различным моментам времени. Если шаг по времени достаточно мал (например, порядка 5 суток), то эта неточность, по-видимому, не превос-

ходит порядка ошибки измерения величин ингредиентов. Большой же шаг недопустим.

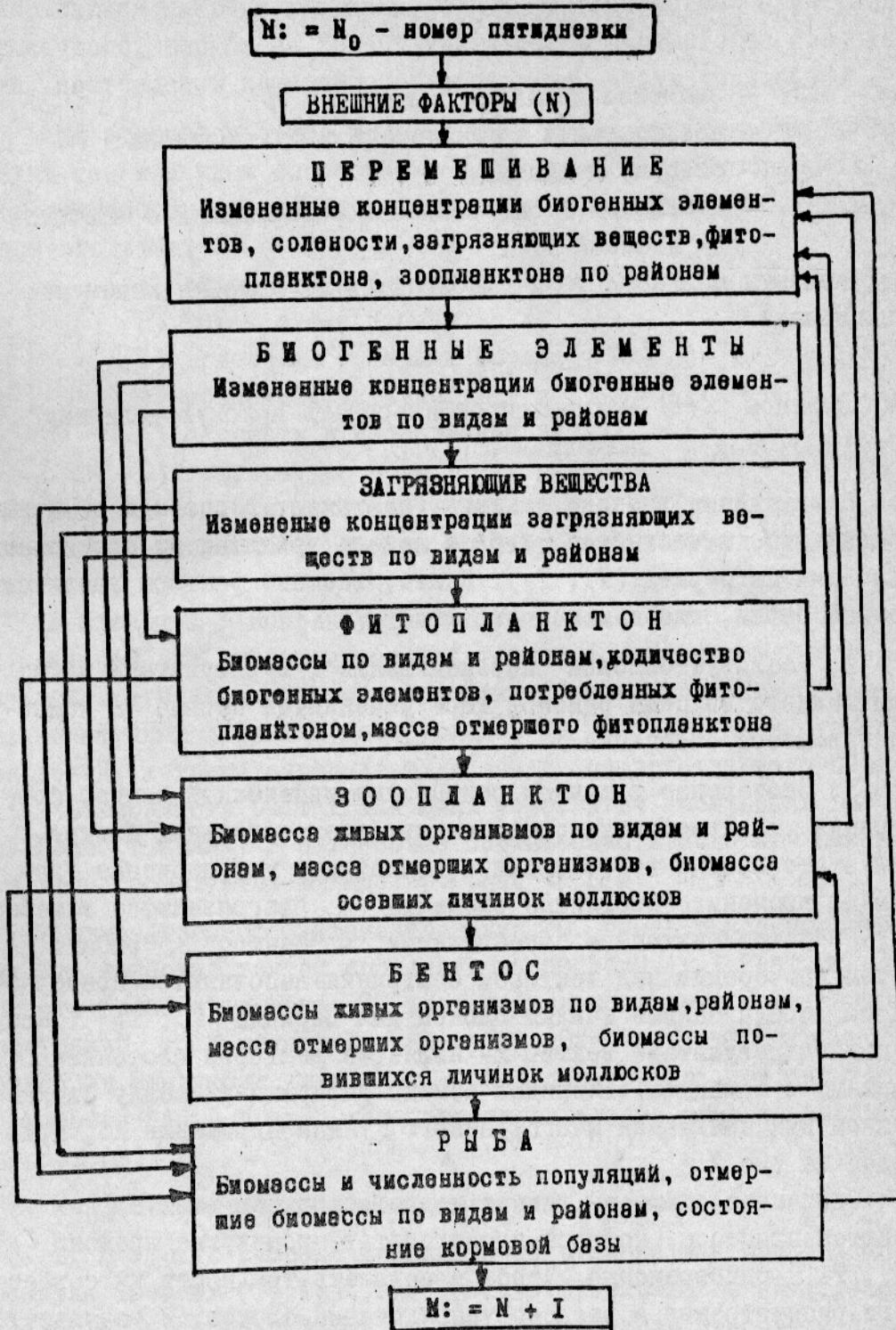


Рис.2. Порядок обмена информацией между блоками имитационной системы

Последовательно-параллельное протекание процессов (Б)

1. Так же как в А.

2. Так же как в А.

3. В каждом блоке все моделируемые процессы делятся на два класса – одновременные и последовательные. Для промежутка времени $[T_0, T_1]$ один за другим реализуются последовательные процессы всех блоков, приходящиеся на эту пятидневку, в результате чего определяется измененный вектор \hat{x}_0 , который преобразуется в x_1 с помощью одновременно протекающих процессов

z_1, \dots, z_r , относящихся к различным блокам. В каждом из этих процессов отдельные ингредиенты потребляются, другие же могут производиться, причем, вообще говоря, известны не точные количества потребленных и произведенных ингредиентов, а возможные границы изменения этих величин, зависящие от различных факторов.

$$x_{T_0} = \begin{pmatrix} T_0 \\ z_1 \dots z_j \dots z_r \dots \\ \cdots [a_{ij}(\phi_{T_0}), \bar{a}_{ij}(\phi_{T_0})] \dots \\ \vdots \end{pmatrix},$$

где Φ_{T_0} – вектор факторов в момент T_0 ;

a_{ij}^0 и \bar{a}_{ij} – соответственно верхняя и нижняя границы.

Трудность моделирования здесь состоит в том, чтобы определить интенсивности P_1, \dots, P_r происходящих процессов. Она может быть преодолена с помощью следующего алгоритма:

- 1) моделируем реализацию вектора Φ_{T_0} ;
- 2) определяем величины $a_{ij}(\phi_{T_0})$ и $\bar{a}_{ij}(\phi_{T_0})$;
- 3) предполагая величину $a_{ij}(\phi_{T_0})$ случайной (с тем или иным законом распределения в $[a_{ij}(\phi_{T_0}), \bar{a}_{ij}(\phi_{T_0})]$) находим ее реализацию при помощи метода Монте-Карло;
- 4) определяем границы возможных изменений $x_{T_0}^i : x_{T_0}^i$ и $x_{T_0}^i$;
- 5) в качестве начальных значений искомых интенсивностей P_1, \dots, P_r выбираем соответствующие компоненты вектора x_{T_0} ;
- 6) в матрице (A_{ij}) отмечаем положительные и отрицательные элементы, после чего определяем величины

$$\Delta_i = \sum a_{ij}^i \cdot x_{T_0}^{kj} + x_{T_0}^{ki} - \sum \bar{a}_{ij} \cdot x_{T_0}^{kj} +$$

+
(для действительно реализуемых величин $P_i \Delta_i \geq 0$).

7) формируем векторы "условий жизни" для каждого ингредиента ($U_{i1}, U_{i2}, \theta_i^1, \dots \theta_i^s$)

$$U_{i2} = \frac{\sum \bar{a}_{ij} \cdot x_{T_0}^{k_j}}{\sum (\bar{a}_{ij}^+) \cdot x_{T_0}^{k_j}},$$

где $U_{i1} = \frac{\sum a_{ij}^+ \cdot x_{T_0}^{k_j}}{\sum (\bar{a}_{ij}^+) \cdot x_{T_0}^{k_j}},$

θ_i^k - экспертная оценка k -ой компоненты вектора для i -го ингредиента.

8) упорядочиваем ингредиенты по "условиям жизни" и тем самым устанавливаем предпочтения в развитии для родственных видов, а также тенденции к росту или сокращению для каждого ингредиента;

9) выбираем "ШАГ" изменения P_i ;

I0) улучшаем значения P_i с учетом 4), 5), 6), 7), 8), 9);

II) отыскиваем "зоны неопределенности" для интенсивностей каждого процесса (повторение этапов 5)-I0);

I2) выбираем действительно реализуемые величины P_i из "зон неопределенности" либо как соответствующие средние значения, либо с помощью случайного выбора;

I3) формируем вектор x_{T_1} .

Многократное разыгрывание элементов матрицы позволяет получить множество $\{x_{T_1}\}$ возможных состояний в момент T_1 .

При таком подходе к моделированию имеет смысл сопоставить траектории реальной системы, не одну траекторию модели, а их семейство. Изучение статистических закономерностей этого семейства траекторий для оценки различных управляющих воздействий на систему - основная часть работы ИС "Азовское море".

Приведенный алгоритм нуждается в некоторых пояснениях. Прежде всего, он не может быть строго обоснован. По сути - это имитация происходящих в действительности процессов питания - отмирания. Однако в связи с тем, что эти процессы описываются на популяционном, а не на организменном уровне, возникает необходимость в использовании такой итерационной процедуры (п.п.4)-I0) для определения их возможных интенсивно-

стей, которая бы не противоречила имеющимся биологическим представлениям.

Наиболее серьезная верификация и уточнение могут быть получены при испытании его на реальных данных.

Список использованной литературы

1. Варшавский В.И. Коллективное поведение автомата. М., "Наука", 1973, 404 с.
2. Меншуткин В.В. Математическое моделирование популяций и сообществ водных животных. Л., "Наука", 1971, 195 с.
3. Systems analysis and simulation in ecology. vol.I, II, Ed. B. Patten. Acad. Press, 1971, p.1100.
4. Tait, R.V. Elements of marine ecology, London, Butterworths, 1973, p.272.

The simulation system AZOV SEA.

A.B.Gostko.

S u m m a r y

Principles of the simulation system AZOV SEA are described. The functioning of the system is worked out for two variants.